

تنوع ژنتیکی در ژرم‌پلاسما گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران

Genetic Diversity in Safflower Germplasm of National Plant Gene Bank of Iran

محمد عباسعلی^۱ و مهدی زهراوی^۲

۱ و ۲- به ترتیب مربی و استادیار، بانک ژن گیاهی ملی ایران، مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران

تاریخ دریافت: ۱۳۹۵/۳/۱۸ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۵/۹/۲۵

چکیده

عباسعلی، م. و زهراوی، م. ۱۳۹۵. تنوع ژنتیکی در ژرم‌پلاسما گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران. مجله به‌نژادی نهال و بذر ۱-۳۲: ۵۲۷-۵۲۷.

گلرنگ یکی از گیاهان مناسب برای تولید روغن در مناطق خشک است و با توجه به تغییرات اقلیم در چند سال گذشته مورد توجه قرار گرفته است. پایه ژنتیکی و ژرم‌پلاسما غنی برای اصلاح این گیاه ضرورت دارد. این تحقیق در سال ۱۳۹۰ با هدف بررسی تنوع ژنتیکی ۳۴۵ نمونه از کلکسیون ژرم‌پلاسما گلرنگ بانک ژن گیاهی در مزرعه تحقیقاتی مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج انجام شد، نتایج اولیه نشان داد بسیاری از نمونه‌ها دارای مورفوتیپ‌های متنوع بودند و با جداسازی و تعیین مورفوتیپ‌ها، در مجموع ۵۳۴ نمونه ژنتیکی به دست آمد که به صورت مشاهده‌ای مورد مطالعه قرار گرفتند. رنگ جام گل و میزان خاردارگی براکته مقادیر قابل توجهی از شاخص شانون را به خود اختصاص دادند. عملکرد دانه تک بوته، بزرگ‌ترین (۸۵/۶۲ درصد) و روز تا گلدهی (۷/۲۴) کوچک‌ترین، ضریب تغییرات را دارا بودند. در تجزیه به مؤلفه‌های اصلی، ۵۶/۱۳ درصد از تغییرات، توسط سه مؤلفه اول توجیه شد. مؤلفه‌های اول و دوم به ترتیب بیانگر اجزاء عملکرد و اجزاء رویشی بودند. تجزیه خوشه‌ای به روش K means، با تشکیل پنج گروه، نمونه‌های مورد بررسی را از یک‌دیگر متمایز کرد. پراکنش مبداء نمونه‌های ژنتیکی در نمودار بای‌پلات حاصل از مقیاس‌بندی چند بعدی در برخی موارد با موقعیت جغرافیایی آن‌ها مطابقت داشت. به طور کلی نتایج نشان داد که در ژرم‌پلاسما گلرنگ تنوع قابل توجهی وجود دارد که می‌تواند در برنامه‌های به‌نژادی قابل استفاده باشد.

واژه‌های کلیدی: گلرنگ، بانک ژن گیاهی ملی ایران، مورفوتیپ، نمونه ژنتیکی.

مقدمه

هکتار بوده است (Anonymous, 2015). گلرنگ از خانواده Asteracea است. هند، افغانستان و اتیوپی به عنوان خاستگاه این گیاه شناخته شده است (Vavilov, 1951). موطن احتمالی گلرنگ اهلی منطقه‌ای محصور میان مدیترانه شرقی و خلیج فارس است (Knowles, 1969). گلرنگ از دیرباز در خراسان، آذربایجان و اصفهان به صورت زراعت فرعی و با هدف تهیه رنگ از گلبرگ آن کشت می‌شده است. ایران یکی از غنی‌ترین مناطق ذخایر ژنتیکی گونه‌های زراعی و وحشی گلرنگ است (Khajehpour, 2004). جنس *Carthamus* شامل ۲۵ گونه است و تنه‌ها گونه *C. tinctorius* L. در مناطق مختلف جهان کشت می‌شود (Ashri and Knowles, 1960)؛ Patel and Narayana, 1935؛ Richharia and Kotval, 1940؛ Kumar et al., 1981). گونه *C. oxyacantha* Bieb، خویشاوند نزدیک گونه زراعی، در اکثر نقاط ایران پراکنده است و تلاقی طبیعی بین آن و گونه زراعی در اطراف اصفهان و در مزرعه‌ای آزمایشی در بغداد مشاهده شده است (Singh, 2006).

هند دارای بزرگ‌ترین کلکسیون گلرنگ، در قالب دو کلکسیون مجزا، به تعداد ۷۵۲۵ و ۲۳۹۳ نمونه است و آمریکا نیز دارای دو کلکسیون به تعداد ۲۲۸۸ و ۱۹۶۴ نمونه از گلرنگ زراعی و گونه‌های متفاوت جنس

گلرنگ (*Carthamus tinctorius* L.)، از گیاهان صنعتی است که از گذشته‌های دور با هدف تولید ماده رنگی، در ایران کشت و کار می‌شده است (Koocheki and Khajeh Hosseini, 2008). رنگ آن برای غذا و رنگ‌آمیزی پارچه و ابریشم استفاده می‌شود (Khajehpour, 2004) و گل‌های آن کاربرد پزشکی و درمانی دارد (Singh, 2006). مهم‌ترین مصرف فعلی آن تهیه روغن است. علی‌رغم تحمل بالا به کم‌آبی، ترکیب اسیدهای چرب و کیفیت مناسب روغن، از نظر تغذیه و مصارف صنعتی و پزشکی، کشت گلرنگ کم‌تر مورد توجه قرار گرفته است. این گیاه با دارا بودن خصوصیات ویژه، با توجه به تغییر اقلیم و بحران آب، می‌تواند جایگاه مناسبی در الگوی کشت مناطق خشک جهان و ایران داشته باشد (Koocheki and Khajeh Hosseini, 2008). کشورهای هند، مکزیک، قزاقستان، آمریکا و آرژانتین طی دهه گذشته بیش‌ترین سطح زیر کشت گلرنگ را داشته‌اند. سطح کشت جهانی آن در سال ۲۰۱۳ برابر ۷۸۲۶۴۱ هکتار با میانگین عملکرد ۸۲۷ کیلوگرم در هکتار بوده است. قزاقستان بیش‌ترین سطح زیر کشت به میزان ۲۷۶۵۰۰ هکتار و با میانگین عملکرد ۶۳۲ کیلوگرم در هکتار را در اختیار دارد، سطح زیر کشت در ایران در سال ۲۰۱۳ برابر ۸۱۰ هکتار و میانگین عملکرد ۶۹۱ کیلوگرم در

نشان داد (Dwivedi *et al.*, 2005).

ارزیابی عمومی ژرم پلاسم شامل صفات مورفولوژیک، فیزیولوژیک و زراعی، از اهم بررسی‌های مواد ژنتیکی و تشکیل بانک اطلاعاتی پایه است. تحقیق و توسعه جنبه‌های مختلف گلرنگ، با وجود سازگاری آن به شرایط متنوع رشد و پتانسیل عملکرد بسیار بالا و تنوع استفاده از بخش‌های مختلف آن، مورد توجه کافی قرار نگرفته است. در فرآیند اصلاح، داشتن مواد ژنتیکی غنی که از جنبه‌های مختلف شناسایی شده، ضروری است، این تحقیق، با چنین هدفی به بررسی صفات مورفولوژیک و فنولوژیک قسمتی از ژرم پلاسم گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران پرداخت.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق ۳۴۵ نمونه ژنتیکی از کلکسیون ژرم پلاسم گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران، عمدتاً دریافتی از سازمان خوار و بار و کشاورزی (FAO)، مورد ارزیابی قرار گرفتند. مواد ژنتیکی مذکور در ۲۷ اردیبهشت ۱۳۹۰ در مزرعه بخش تحقیقات ژنتیک و ذخایر توارثی در کرج با مختصات جغرافیایی طول ۵۰ درجه و ۵۹ دقیقه شرقی و عرض ۳۵ درجه و ۵۲ دقیقه شمالی و ارتفاع ۱۳۲۱ متر از سطح دریا، به صورت مشاهده‌ای مورد کشت و بررسی قرار گرفتند. هر نمونه در سه خط دو متری با فاصله ۵۰ سانتی متر بین ردیف و ۵-۷ سانتی متر روی ردیف کاشته شد. داشت

مربوطه است که از ۵۰ کشور جمع‌آوری شده‌اند (Zhang and Johnson, 1999). بانک ژن گیاهی ملی ایران دارای ۸۱۹ نمونه ژنتیکی گلرنگ است، از این تعداد ۵۳۹ نمونه از گونه زراعی و بقیه از خویشاوندان وحشی آن هستند. جمع‌آوری توده‌های بومی و ارقام و لاین‌های گلرنگ از سراسر کشور از سال ۱۳۸۰ و نیز وارد کردن ژنوتیپ‌های گلرنگ از بانک جهانی گلرنگ سبب شد تا بزرگ‌ترین کلکسیون خاورمیانه با حدود ۳۵۰۰ نمونه در موسسه تحقیقات کشاورزی دیم ایجاد شود (Pourdad, 2000). در بررسی ۲۷۰ نمونه ژنتیکی گلرنگ در شرایط دیم، تجزیه خوشه‌ای برای صفات، ژنوتیپ‌ها را در پنج گروه قرار داد (Jamshid-Moghadam *et al.*, 2006). در بررسی ۸۱ نمونه ژنتیکی گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران، تنوع قابل توجهی مشاهده شد. در این تحقیق ضریب تنوع شانون برای صفات رنگ خار براکته، و بافت برگ کم‌ترین و تراکم خار برگ، طول شاخه، محل شاخه، و ریزش دانه بیش‌ترین مقدار را داشت (Abbasali *et al.*, 2006). با بررسی ۵۵۲۲ نمونه گلرنگ و تجزیه خوشه‌ای برای صفات مورفولوژیک و جغرافیایی، پس از جداسازی تصادفی ده درصد از نمونه‌ها از ۲۵ گروه حاصل، کلکسیون هسته (Core collection) تشکیل داده شد و مقایسه میانگین داده‌ها و شاخص تنوع شانون (Shannon)، حفظ تنوع را در کلکسیون هسته

نسبی شناسه i ام مورد نظر از یک صفت و L_n لگاریتم طبیعی است.

برای صفات کمی، پارامترهای آماری شامل میانگین و انحراف معیار، بیشینه و کمینه، محاسبه شد. ابعاد داده‌ها با استفاده از تجزیه به مؤلفه‌های اصلی کاهش یافت. برای گروه‌بندی نمونه‌های ژنتیکی از تجزیه خوشه‌ای به روش K means استفاده شد. پراکنش مبداء ژرم پلاسِم مورد بررسی با استفاده از بای‌پلات مبتنی بر مقیاس‌بندی چند بعدی مورد بررسی قرار گرفت. تجزیه‌های آماری با استفاده نسخه ۱۶ نرم‌افزار SPSS انجام شد.

نتایج و بحث

تعداد نمونه‌های ژنتیکی گلرنک و کشورهای منشاء آن در جدول ۱ و صفات مورد ارزیابی برای مطالعه تنوع ژنتیکی نمونه‌ها در جدول ۲ نشان داده شده‌اند.

بر اساس شاخص شانون (جدول ۳)، نمونه‌های سودان (۱/۳۴)، مصر (۱/۳۱) و استرالیا (۱/۲۶) دارای بیش‌ترین تنوع از نظر صفت رنگ جام بودند. این صفت در نمونه‌های آرژانتین، بنگلادش، بلغارستان، دانمارک، الجزیره، بریتانیا، ایتالیا، لبنان و سوئد فاقد تنوع بود. نمونه‌های اکراین (۱/۱۰)، چین (۱/۰۸) و مصر (۱/۰۶) دارای بیش‌ترین تنوع از نظر صفت خارداری براکته بودند، در حالی که نمونه‌های تاجیکستان، فیلیپین، روسیه، آلمان، ایتوپی و ایتالیا فاقد تنوع از نظر این صفت بودند.

محصول از جمله آبیاری، وجین علف‌های هرز و غیره، طبق نیاز گلرنک و با توجه به شرایط محیطی انجام شد.

بررسی مقدماتی ژرم پلاسِم مورد ارزیابی نشان داد که در بسیاری از نمونه‌ها مورفوتیپ‌های متنوعی وجود دارد و لذا بر اساس دستورالعمل مؤسسه بین‌المللی ذخائر توارثی گیاهی (Anonymous, 1981) به جداسازی نمونه‌ها و تعیین مورفوتیپ‌ها مبادرت شد. پس از جداسازی مورفوتیپ‌ها مشخص شد که از بین کل ژرم پلاسِم مورد ارزیابی، ۲۲۱ نمونه ژنتیکی از چند تیپ مورفولوژیکی تشکیل شده بودند و ۱۲۴ نمونه ژنتیکی صرفاً متشکل از یک مورفوتیپ بودند. در مجموع تعداد کل نمونه‌های ژنتیکی به تعداد ۵۳۴ مورفوتیپ افزایش یافت و ارزیابی صفات روی این تعداد از نمونه‌های ژنتیکی انجام شد. خصوصیات مورد بررسی شامل صفات مورفولوژیکی رویشی، مشخصات بتانیکی براکته‌های بیرونی، خواص مورفولوژیکی گل، و صفات مربوط به بذر بودند که بر اساس دستورالعمل مربوطه (Anonymous, 1981)، ارزیابی شدند.

تنوع صفات کیفی با استفاده از شاخص شانون (Shannon, 1948)، از طریق فرمول زیر اندازه‌گیری شد:

$$H = - \sum_{i=1}^S P_i L_n(P_i)$$

که در آن H شاخص تنوع شانون، P_i فراوانی

جدول ۱- کشورهای مبدا و تعداد نمونه‌های ژنتیکی مورد استفاده در بررسی تنوع ژنتیکی ژرم پلاسما گلرنگ

Table 1. Origin and number of accessions used in study of genetic diversity of safflower

کشور	کد	تعداد نمونه	کشور	کد	تعداد نمونه	کشور	کد	تعداد نمونه
Country	Code	Number of accessions	Country	Code	Number of accessions	Country	Code	Number of accessions
Netherlands	NLD	1	Great Britain	GBR	2	Argentina	ARG	2
Pakistan	PAK	16	Greece	GRC	1	Armenia	ARM	3
Philippines	PHL	2	Hungary	HUN	5	Australia	AUS	16
Poland	POL	6	India	IND	22	Bangladesh	BGD	7
Portugal	PRT	8	Iran	IRN	26	Bulgaria	BGR	2
Romania	ROM	3	Iraq	IRQ	8	Canada	CAN	2
Russia	RUS	2	Israel	ISR	15	China	CHN	19
Sudan	SDN	15	Italy	ITA	2	Cyprus	CYP	2
Sweden	SWE	2	Jordan	JOR	9	Germany	DDR	3
Syria	SYR	11	Japan	JPN	6	Denmark	DNK	2
Thailand	THA	1	Kazakhstan	KAZ	9	Algeria	DZA	2
Tajikistan	TJK	3	Kenya	KEN	6	Egypt	EGY	22
Turkmenistan	TUK	21	Korea	KOR	3	Eritrea	ERI	1
Ukraine	UKR	3	Kuwait	KWT	1	Spain	ESP	6
United States	USA	185	Libyan	LBY	2	Ethiopia	ETH	5
Uzbekistan	UZB	13	Morocco	MAR	8	France	FRA	8
Unknown	Unknown	6	Afghanistan	AFG	9			

جدول ۲- صفات مورد ارزیابی در مطالعه تنوع ژنتیکی ژرم پلاسما گلرنگ

Table 2. Evaluated traits in the study of genetic diversity of safflower germplasm

صفات و اختصار آنها	Measuring and unites	چگونگی اندازه گیری و واحدها
Traits and abbreviations		
روز تا گلدهی ۵۰٪ بوته‌ها	Number of days from planting or first irrigation to 50% of plants having first flower	تعداد روز از زمان کاشت یا اولین آبیاری تا ایجاد گل در ۵۰٪ بوته‌ها
Days to %50 flowering, (DF)		
رنگ جام گل تازه خشکیده	1 Grey-white, 2 Pale yellow, 3 Yellow, 4 Light orange, 5 Orange base, 6 Orange, 7 Deep red, 8 Other	۱ سفید خاکستری، ۲ زرد کم رنگ، ۳ زرد، ۴ نارنجی کم رنگ، ۵ پایه نارنجی، ۶ نارنجی، ۷ قرمز پر رنگ، ۸ سایر
Corolla color of dry flower, (CCF)		
شدت خاردارگی براکنه های بیرونی	0 None, 1 very low, 3 low, 5 Intermediate, 7 High, 9 Very high	۰= بدون، ۱= خیلی کم، ۳= کم، ۵= متوسط، ۷= زیاد، ۹= خیلی زیاد
Spine intensity of outer involucral bracts, (ISB)		
ارتفاع بوته	Mean of 5 random plants from the middle of the plot (cm)	میانگین ارتفاع ۱۰ بوته تصادفی از میان کرت (سانتی متر)
Plant height, (PH)		
عملکرد تک بوته	Mean of 5 random plants from the middle of the plot (g)	میانگین وزن بذر ۱۰ بوته تصادفی (گرم)
Plant seed weight, (PSW)		
شاخص برداشت	The weight ratio of seed to biomass (g)	درصد نسبت عملکرد به زیست توده مربوطه
Harvest Index, (HI)		
وزن صد دانه	Weight of 100 random seeds (g)	وزن صد دانه تصادفی (گرم)
Hundred seed weight, (HSW)		
تعداد غوزه در بوته	Mean of head number 10 random plants(cm)	میانگین تعداد قوزه در ۱۰ بوته تصادفی (سانتی متر)
Head (<i>capitulum</i>) number, (PHN)		

جدول ۳- شاخص شانون برای صفات رنگ جام و خاررداری براکت بر اساس کشورهای مبدأ نمونه‌های ژنتیکی گلرنگ

Table 3. Shannon index for corolla color and spine intensity of outer involucre bracts based on the country of origin of safflower germplasm

مبدأ	رنگ جام	خاررداری براکت	مبدأ	رنگ جام	خاررداری براکت	مبدأ	رنگ جام	خاررداری براکت
Origin	Corolla color	Spine intensity	Origin	Corolla color	Spine intensity	Origin	Corolla color	Spine intensity
AFG	0.69	0.94	GBR	0.00	0.35	PHL	0.69	0.00
ARG	0.00	0.69	HTH	0.64	0.00	POL	0.64	0.87
ARM	1.10	0.64	HUN	0.67	0.95	PRT	0.66	0.66
AUS	1.26	0.78	IND	1.03	0.30	ROM	1.10	0.64
BGD	0.00	0.96	IRN	1.02	0.97	RUS	0.69	0.00
BGR	0.00	0.69	IRQ	0.69	0.66	SDN	1.34	0.49
CAN	0.69	0.69	ISR	1.09	1.04	SWE	0.00	0.69
CHN	1.06	1.08	ITA	0.00	0.00	SYR	0.93	0.86
CYP	0.69	0.69	JOR	0.94	0.53	TJK	1.10	0.00
DDR	0.64	0.00	JPN	0.69	0.64	TUK	1.05	0.93
DNK	0.00	0.35	KAZ	1.15	1.00	UKR	0.64	1.10
DZA	0.00	0.69	KEN	1.24	0.45	USA	1.22	0.94
EGY	1.31	1.06	KOR	0.64	0.64	UZB	1.22	0.94
ESP	0.87	1.01	LBY	0.00	0.69	Unknown	1.10	0.64
ETH	0.00	0.00	MAR	0.56	0.66			
FRA	1.04	0.90	PAK	0.97	0.62			

برای نام کشورهای مبدأ به جدول ۱ مراجعه شود.

For abbreviations of country of origins see Table 1.

صفت روز تا ۵۰ درصد گلدهی دارای دامنه ۲۴ روز بود. نمونه ژنتیکی TN0511E (از پاکستان) دارای کم‌ترین تعداد روز تا ۵۰ درصد گلدهی (۵۴ روز) بود. نمونه‌های ژنتیکی TN0595B، TN0597A، TN0597B، TN0597E و TN0597F (از ترکمنستان)، TN0591B (از کویت)، TN0594 (از فلسطین اشغالی)، TN0773 (از چین)، TN0592A و TN0592B (از آرژانتین) با ۷۸ روز تا گلدهی، دیرگل‌ده‌ترین مورفوتیپ‌ها بودند. نمونه ژنتیکی TN0484C (از فرانسه)، کوتاه‌ترین و نمونه ژنتیکی TN0679 (از ایالات متحده آمریکا)، بلندترین ارتفاع بوته را داشتند. ارتفاع بوته در نمونه‌های ژنتیکی ایرانی، از ۵۷ تا ۸۷ سانتی‌متر، متغیر بود. نمونه‌های ژنتیکی TN0501C (با ۸/۷ گرم از سودان)، TN0548 (با ۸/۵ گرم از لهستان) و TN0503A (با ۷/۸ گرم از سودان) دارای بیش‌ترین مقدار وزن صد دانه بودند. مقدار وزن صد دانه در نمونه‌های ایرانی از ۲/۸ گرم تا ۶/۶ گرم متغیر بود.

نتایج تجزیه به مؤلفه‌های اصلی در جدول ۵ ارائه شده است. براساس این نتایج، سه مؤلفه اول ۵۶/۱۳ درصد از تغییرات در جمعیت مورد مطالعه را در برداشتند. مؤلفه اصلی اول ۲۴/۲۵ درصد از واریانس داده‌ها را توجیه کرد که در آن، بیش‌ترین ضرایب به صفات وزن بذر یک بوته (۰/۸۶)، تعداد قوزه در بوته (۰/۶۴) و شاخص برداشت (۰/۵۹) اختصاص داشت. این

نمونه‌های مصر متنوع‌ترین ژرم‌پلاسم با در نظر گرفتن هر دو صفت رنگ جام و خاردراری براکته بودند. با توجه به اینکه دو صفت اخیر از بارزترین صفات در تنوع گلرنگ زراعی هستند، این یافته با نظر وایس (Weiss, 1971) که سرزمین اولیه پرورش گلرنگ را سرتاسر دره نیل تا اتیوپی می‌داند منطبق است. نمونه‌های قزاقستان را می‌توان به عنوان مواد ژنتیکی با تنوع بالا، از نظر هر دو صفت مذکور نام برد، قابل ذکر است که قزاقستان همیشه جزء ده کشور اول تولید کننده دانه گلرنگ بوده و در سال ۲۰۱۳ اولین تولید کننده دانه گلرنگ در جهان بود (Anonymous, 2015). از سوی دیگر، فقط نمونه‌های ایتالیا فاقد تنوع برای هر دو صفت رنگ جام و خاردراری براکته بودند. این نتایج نشان می‌دهد دو صفت مذکور از تغییرات کافی در جوامع مختلف برخوردار بوده و انتخاب آن‌ها برای مطالعه تنوع مناسب بوده است. براساس شاخص شانون، نمونه‌های با منشاء ایران دارای رتبه ۱۳ برای تنوع رنگ جام (۱/۰۲) و رتبه هفت برای تنوع خاردراری براکته (۰/۹۷) بودند. نتایج آماره‌های توصیفی برای جمعیت مورد مطالعه (جدول ۴) نشان داد که صفات عملکرد دانه تک بوته دارای بیش‌ترین (۸۵/۶۲ درصد) و روز تا ۵۰ درصد گلدهی (۷/۲۴ درصد) دارای کم‌ترین ضریب تغییرات بودند. همچنین صفات تعداد قوزه در بوته (۷۸/۷۰ درصد) و زیست توده (۷۷/۷۴ درصد) نیز از ضریب تغییرات بالایی برخوردار بودند.

جدول ۴- مقادیر آماره‌های توصیفی برای صفات مختلف ژرم پلاسما گلرنگ

Table 4. Estimates of descriptive statistics for different traits of safflower germplasm

Trait	صفت	دامنه Range	حداقل Minimum	حداکثر Maximum	میانگین		انحراف استاندارد Std. Deviation	درصد ضریب تغییرات CV (%)
					آماره Statistic	خطای معیار Std. Error		
Days to %50 flowering	روز تا گلدهی ۵۰٪ بوته‌ها	24.00	54.00	78.00	61.37	0.19	4.44	7.24
Plant height	ارتفاع گیاه	71.00	29.00	100.00	59.15	0.46	10.55	17.84
Plant seed weight	عملکرد تک بوته	59.70	0.60	60.30	11.67	0.43	9.99	85.62
Biomass	زیست توده	1795.00	5.00	1800.00	421.62	14.18	327.77	77.74
Harvest Index	شاخص برداشت	63.75	0.45	64.20	17.94	0.41	9.47	52.80
Hundred seed weight	وزن صد دانه	6.70	2.00	8.70	4.08	0.04	0.88	21.67
Head (<i>capitulum</i>) number	تعداد قوزه در بوته	111.84	3.16	115.00	22.36	0.76	17.59	78.70

جدول ۵- تجزیه به مؤلفه‌های اصلی داده‌های حاصل از ارزیابی صفات مختلف در ژرم پلاسما گلرنگ

Table 5. Principal component analysis of data obtained from assessment of different traits of safflower germplasm

Trait	صفت	مؤلفه اصلی Principal component		
		1	2	3
Days to %50 flowering	روز تا گلدهی ۵۰٪ بوته‌ها	0.36	0.51	0.06
Plant height	ارتفاع گیاه	0.43	-0.02	-0.46
Plant seed weight	عملکرد تک بوته	-0.33	-0.16	0.65
Biomass	زیست توده	0.45	0.68	-0.05
Harvest Index	شاخص برداشت	0.86	-0.12	0.31
Hundred seed weight	وزن صد دانه	-0.22	0.70	0.19
Head (<i>capitulum</i>) number	تعداد قوزه در بوته	0.59	-0.28	-0.35
Days to %50 flowering	روز تا گلدهی ۵۰٪ بوته‌ها	-0.11	-0.47	-0.11
Plant height	ارتفاع گیاه	0.64	-0.24	0.60
Eigen values	مقادیر ویژه	2.18	1.60	1.27
Cumulative variance	درصد واریانس تجمعی	24.25	42.02	56.13

رو نمونه‌های ژنتیکی TN0773 (از چین)، TN0644 (از ایران)، TN0679 (از ایالات متحده آمریکا)، TN0600 (از ایران)، TN0645 (از ایران)، TN0591B (از کویت)، TN019A (از ایران) و TN0628A (از اکراین) با بیشترین مقدار برای این مؤلفه اصلی، از نظر صفات مذکور نسبت به سایر نمونه‌ها برتری داشتند. همانطور که مشاهده می‌شود نمونه‌های برتر براساس مؤلفه اصلی دوم اکثراً متعلق به ایران بودند، که این نتیجه از این نظر جالب توجه است. مؤلفه اصلی سوم ۱۴/۱۱ درصد از واریانس داده‌ها را شامل شد. در این مؤلفه، بیشترین ضرایب به صفات خاردارگی برآکت (۰/۶۵) و تعداد قوزه در بوته (۰/۶۰) اختصاص داشت، لذا نمونه‌های ژنتیکی با بیشترین مقدار

مؤلفه اصلی بر عملکرد و اجزاء عملکرد تأکید داشت، از این رو نمونه‌های ژنتیکی با بیشترین مقدار برای این مؤلفه اصلی، از نظر سه صفت مذکور نسبت به سایر نمونه‌ها برتر بودند. نمونه‌های ژنتیکی برتر براساس مؤلفه‌های اصلی اول عبارت بودند از TN0553B (از پرتغال)، TN0574B (از استرالیا)، TN0487B (از هندوستان)، TN0629B (از روسیه)، TN0648C (از ترکمنستان) و TN0590B (از هندوستان). مؤلفه اصلی دوم ۱۷/۷۷ درصد از واریانس داده‌ها را دربر داشت. صفات زیست توده (۰/۷۰)، ارتفاع (۰/۶۸) و روز تا گلدهی (۰/۵۱) در این مؤلفه، بیشترین ضرایب را در مؤلفه اصلی دوم داشتند. این مؤلفه اصلی بر صفات رویشی و فنولوژیک تأکید داشت. از این

(Shinwari *et al.*, 2014). همچنین در تجزیه به عامل‌ها در بررسی تنوع ژنتیکی در کلکسیون گلرنگ در شرایط دیم، عامل اول و دوم به ترتیب ۲۶ درصد و ۱۵/۷ درصد تغییرات کل را توجیه کرد و در عامل اول صفات عملکرد دانه و روغن دارای بار عاملی بزرگ و به عنوان عامل عملکرد نامگذاری شد. در عامل دوم دو جزء عملکرد یعنی تعداد دانه در غوزه و تعداد غوزه در بوته دارای بارهای عاملی بزرگ و مثبت بودند و به عنوان عامل اجزای عملکرد نامگذاری شد (Pourdad and Jmshid-Moghaddam, 2013). نتایج تجزیه به عامل‌ها در بررسی تنوع ۵۸ نمونه گلرنگ، صفات عملکرد دانه و روغن در عامل اول، تعداد شاخه فرعی و تعداد قوزه در بوته در عامل دوم و روز تا ۵۰٪ گلدهی در عامل سوم تأکید داشت (Hatamzadeh, 2008). نتایج تجزیه به عامل‌ها روی یک صد ژنوتیپ گلرنگ نشان داد که عامل اول ۲۸ درصد از واریانس کل را توجیه کرد و متغیرهای روز تا اولین گلدهی، روز تا ۵۰ درصد گلدهی، روز تا پایان گلدهی و ارتفاع بوته نقش مهمی در این عامل ایفا کردند، عامل دوم ۱۸ درصد از واریانس کل را توجیه کرد که عملکرد دانه در بوته، تعداد قوزه در بوته و تعداد انشعاب در بوته دارای بیشترین بار عاملی در آن بودند (Maleki Nejad and Majidi, 2014).

نتایج تجزیه واریانس یک طرفه برای صفات کمی نشان داد که ژرم پلاسما مورد بررسی،

برای این مؤلفه اصلی، از نظر دو صفت مذکور نسبت به سایر نمونه‌ها برتری داشتند. نمونه‌های ژنتیکی برتر براساس مؤلفه‌های اصلی سوم عبارت بودند از TN0574B (از استرالیا)، TN0590B (از هندوستان)، TN0487B (از هندوستان)، TN0577B (از ازبکستان UZB) و TN0744C (از ایالات متحده آمریکا).

به منظور گزینش و متمایز کردن نمونه‌های واجد رشد زایشی بیش‌تر (عملکرد و اجزاء عملکرد برتر) و رشد رویشی کم‌تر (زیست توده، ارتفاع بوته و روز تا گلدهی کم‌تر) باید مقادیر بزرگ‌تر براساس مؤلفه اصلی اول و مقادیر کوچک‌تر از مؤلفه اصلی دوم را مد نظر قرار داد. نمونه‌های ژنتیکی TN0505B (از مراکش)، TN0606B (از سودان)، TN0674B (از ایالات متحده آمریکا)، TN0545B (از مجارستان)، TN0487B (از هندوستان)، TN0621B (از قزاقستان)، TN0722B (از ایالات متحده آمریکا)، TN0577B (از ازبکستان)، TN0641B (از بنگلادش) و TN0673B (از ایالات متحده آمریکا) دارای ویژگی مذکور بودند و برای اهداف به‌نژادی در این زمینه قابل توصیه هستند. در انجام تجزیه به مؤلفه‌های اصلی در بررسی ۱۲۲ نمونه ژنتیکی گلرنگ در پاکستان نتایج مشابهی به دست آمد به طوری که مؤلفه اول با توجیه ۲۶/۰۲ درصد کل واریانس دارای ضرایب بیشینه‌ای برای صفات عملکردی تعداد قوزه در بوته، تعداد دانه در قوزه، زمان گلدهی و عملکرد بود

کم‌ترین میانگین تعداد قوزه در بوته و نمونه‌های آرژانتین و روسیه با بیش‌ترین میانگین تعداد قوزه در بوته، به‌طور متمایز از نمونه‌های سایر کشورها قرار گرفتند.

در تجزیه خوشه‌ای به روش K means، با تشکیل پنج گروه، نمونه‌های مورد بررسی از یک‌دیگر متمایز شدند (جدول ۶). گروه اول با ۳۵ عضو، دارای کم‌ترین میانگین بذر تک بوته، شاخص برداشت، تعداد قوزه در بوته و همچنین به‌همراه گروه دوم، بیش‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی بود. گروه دوم با پنج عضو، دارای بیش‌ترین میانگین ارتفاع بوته، وزن بذر تک بوته و زیست توده، کم‌ترین میانگین وزن صد دانه و همچنین به‌همراه گروه اول، بیش‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی بود. گروه سوم با ۱۶۲ عضو به‌همراه گروه پنجم، دارای کم‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی بود. گروه پنجم با ۲۲۰ عضو، دارای بیش‌ترین میانگین شاخص برداشت، وزن صد دانه، تعداد قوزه در بوته و کم‌ترین میانگین ارتفاع بوته، زیست توده، و همچنین به‌همراه گروه سوم، کم‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی بود. گروه دوم بیش‌ترین فاصله را از سایر گروه‌ها دارا بود (جدول ۷).

از آن‌جا که صفات مورد بررسی روی ژرم پلاسماهای متفاوت در نقاط متفاوت جهان کاملاً منطبق نیست بررسی مقایسه‌ای از نظر عوامل جداکننده گروه‌ها، در تجزیه خوشه‌ای، دشوار است، ولی می‌توان گفت که بر اساس

براساس منشاء، از نظر تمام صفات مذکور در سطح احتمال یک درصد دارای تفاوت معنی‌دار بودند. براساس نتایج مقایسه میانگین‌ها، نمونه‌های فرانسه، الجزیره، کره جنوبی، کنیا، رومانی، قبرس و ایتالیا با کم‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی و نمونه‌های آرژانتین و افغانستان با بیش‌ترین میانگین تعداد روز تا گلدهی، به‌طور متمایز از نمونه‌های سایر کشورها قرار گرفتند. نمونه‌های ایتالیا و کنیا با کم‌ترین میانگین ارتفاع بوته و نمونه‌های اکراین با بیش‌ترین میانگین ارتفاع بوته، در گروهی جداگانه از نمونه‌های سایر کشورها قرار گرفتند. نمونه‌های بلغارستان با کم‌ترین میانگین وزن بذر تک بوته و نمونه‌های روسیه با بیش‌ترین میانگین وزن بذر تک بوته، دارای تفاوت معنی‌دار با نمونه‌های سایر کشورها بودند. نمونه‌های ارمنستان، پاکستان، کره جنوبی، رومانی و لهستان با کم‌ترین میانگین زیست توده و نمونه‌های اسپانیا با بیش‌ترین میانگین زیست توده، به‌طور متمایز از نمونه‌های سایر کشورها قرار گرفتند. نمونه‌های هندوستان و روسیه با کم‌ترین میانگین شاخص برداشت و نمونه‌های مجارستان با بیش‌ترین میانگین شاخص برداشت، در گروهی جداگانه از نمونه‌های سایر کشورها قرار گرفتند. نمونه‌های سوئد با کم‌ترین میانگین وزن صد دانه و نمونه‌های سودان با بیش‌ترین میانگین وزن صد دانه، دارای تفاوت معنی‌دار با نمونه‌های سایر کشورها بودند. نمونه‌های کانادا و ایتالیا با

جدول ۶- میانگین صفات گروه‌های حاصل از تجزیه خوشه‌ای به روش K means در ژرم پلاسما گلرنگ
 Table 6. Trait means of groups developed by K means clustering method in safflower germplasm

Traits	صفات	Cluster کلاستر				
		1	2	3	4	5
Days to %50 flowering	روز تا گلدهی ۵۰٪	63.00	63.00	61.00	62.00	61.00
Plant height (cm)	ارتفاع بوته	62.00	71.00	60.00	62.00	56.00
Plant seed weight (g)	عملکرد تک بوته	9.10	14.00	11.20	9.80	13.30
Biomass (g)	زیست توده	1075.00	1544.00	419.00	758.00	123.00
Harvest Index	شاخص برداشت	13.05	13.46	16.50	15.57	21.08
100 seed weight (g)	وزن صد دانه	3.80	3.70	4.10	4.00	4.20
Head (capitulum) number	تعداد قوزه در بوته	17.23	18.07	20.56	17.53	27.05
Number of Cases in each Cluster	تعداد اعضای هر گروه	35.00	5.00	162.00	112.00	220.00

جدول ۷- فواصل بین گروه‌های تشکیل شده حاصل از
 تجزیه خوشه‌ای K means در نمونه‌های ژنتیکی ژرم پلاسما گلرنگ
 Table 7. Distance between groups constructed by K means clustering method
 in germplasm of safflower

Cluster گروه	1	2	3	4
2	469.54			
3	655.56	1125.00		
4	316.89	786.37	338.68	
5	951.64	1421.00	296.13	634.79

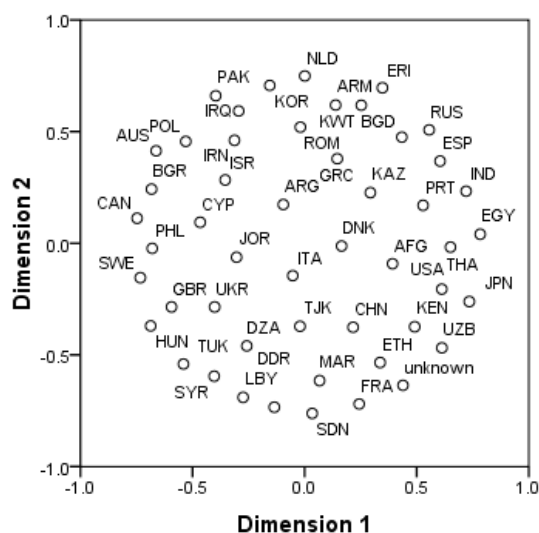
نزدیکی کشورهای فلسطین اشغالی، عراق و پاکستان قرار داشت (شکل ۱).

میزان کم تولید دانه‌های روغنی در کشورهایمانند ایران که در آن‌ها شرایط خشک در مناطق وسیعی حاکم است، سبب شده که گیاه گلرنگ در چند سال گذشته مورد توجه قرار گیرد. همچنین تمایل مصرف کنندگان برای استفاده از روغن سالم با مقدار کم‌تر از چربی‌های اشباع که در گلرنگ به خوبی شناخته شده است و با توجه به تغییرات اقلیمی که باعث تشدید گرما، کاهش میزان بارندگی و سختی بیش‌تر شرایط رشد گیاهان خواهد شد، گلرنگ می‌تواند جایگاه مناسبی در الگوی کشت، به خصوص در مناطق خشک جهان و ایران داشته باشد. بر این اساس وجود پایه ژنتیکی و ژرم‌پلاسم غنی، که از نظر صفات عمومی، اختصاصی و چگونگی واکنش به تنش‌های محیطی شناسایی و ارزیابی شده باشد، در فرآیند اصلاح ضرورت دارد. در این تحقیق، تنوع ژنتیکی ژرم‌پلاسم خارجی گلرنگ بانک ژن گیاهی ملی ایران مورد بررسی قرار گرفت. مجموع نتایج تحقیق نشان‌دهنده تنوع قابل توجهی بود. شاخص‌ها و تجزیه‌های متفاوت، این تنوع را بر اساس صفات مورفولوژیک پر اهمیتی مثل رنگ گل، شدت خاردارگی براکته‌ها و تعداد قوزه در بوته به خوبی نشان دادند. تفسیر صفات و قابلیت استفاده از نمونه‌های ژنتیکی مربوطه بر اساس اهداف به‌نژادی موردنظر

نتایج تجزیه خوشه‌ای برای ژرم‌پلاسم گیاه مشابه در سایر تحقیقات، گروه‌ها بیش‌تر بر اساس کدام صفات متمایز شده‌اند. بر این اساس تجزیه خوشه‌ای صفات مورد بررسی ژرم‌پلاسم گلرنگ در پاکستان عوامل یا صفات اصلی جداکننده گروه‌ها، ارتفاع گیاه، تعداد روز تا رسیدن، تعداد قوزه در بوته، تعداد دانه در قوزه و عملکرد بوته ذکر شده است، که در مقادیر متفاوت باعث جدایی نمونه‌ها شده بودند (Shinwari et al., 2014).

نمونه‌های ژنتیکی مورد بررسی بر اساس منشاء به خوبی در نمودار بای‌پلات حاصل از مقیاس‌بندی چند بعدی پراکنده شدند. در یک انتهای قطر متصل کننده ناحیه سمت چپ بالا به سمت راست پایین، کشورهای لهستان و استرالیا و در سوی دیگر فرانسه، ازبکستان و منشاء ناشناخته، قرار داشتند که نشان‌دهنده حداکثر فاصله بین این دو گروه از کشورها است. همچنین در یک انتهای قطر متصل کننده ناحیه سمت راست بالا به سمت چپ پایین، کشورهای روسیه، بنگلادش و اسپانیا و در سوی دیگر کشورهای سوریه، مجارستان و ترکمنستان قرار داشتند که در این حالت نیز بیانگر حداکثر فاصله بین این دو گروه از کشورها است.

کشورهای ایتالیا، دانمارک و اردن در بخش مرکزی نمودار قرار گرفتند که بیانگر فاصله تقریباً یکسان آن‌ها با کشورهای حاشیه‌ای نمودار است. مبدأ ناشناخته به کشورهای ایتالیایی و فرانسه نزدیک‌تر بود. نمونه‌های ایران در



شکل ۱- بای پلات مربوط به پراکنش کشورهای منشأ نمونه‌های ژنتیکی گلرنگ بر اساس مقیاس‌بندی چند بعدی

Fig. 1. Biplot related to the distribution of country of origin of safflower accessions based on multidimension scaling

For abbreviations of country of origins see Table 1. برای نام کشورهای مبدا به جدول ۱ مراجعه شود.

صد دانه و نهایتاً عملکرد دانه در بوته مورد توجه قرار گیرد. در مجموع نتایج نشان داد ژرم پلاسم مورد بررسی از سطح قابل توجهی از تنوع برخوردار بوده و می‌تواند در برنامه‌های به‌نژادی آینده مورد استفاده قرار گیرد.

می‌تواند متفاوت باشد. به این ترتیب هر محقق می‌تواند با توجه به اهداف خود کلکسیون را مورد بهره‌برداری قرار دهد. به طور مثال در این تحقیق، انتخاب در ژرم پلاسم می‌تواند بر اساس صفات مهم اقتصادی مانند دوره‌های فنولوژیک، تعداد قوزه در بوته، تعداد دانه در قوزه و وزن

References

Abbasali, M., Jafaraghaie, M., and Vaezie, S. 2006. Evaluation of statistical parameters, correlations between characters and assessment of genetic diversity of safflower germplasm of National Plant Gene Bank of Iran, Proceedings of The 9th Iranian Crop Sciences Congress, Aboureyhan Campus of University of Tehran, Pakdasht, Iran (in Persian).

Anonymous 2015. <http://faostat.fao.org/site/567/DesktopDefault.aspx?PageID=567#ancor>

Anonymous 1981. Descriptor list for safflower. IBPGR Secretariat, Rome, Italy.

- Ashri, A., and Knowles, P.F. 1960.** Cytogenetics of safflower (*Carthamus L.*) species and their hybrids. *Agronomy Journal* 52: 11-17.
- Dwivedi, S. L., Upadhyaya, H. D., and Hegde, D. M. 2005.** Development of core collection using geographic information and morphological descriptors in safflower (*Carthamus tinctorius L.*) germplasm. *Genetic Resources and Crop Evolution* 52(7): 821-830.
- Hatamzadeh, H. 2008.** Study on traits related to seed yield in safflower by factor analysis. *Seed and Plant* 24(3): 563-578 (in Persian).
- Jamshid-Moghadam, M., Pourdada, S. S., and Hatamzadeh, H. 2006.** Investigation of safflower germplasm in autumn planting under dry-land conditions, Proceedings of the 9th Iranian Crop Sciences Congress, Aboureyhan Campus of University of Tehran, Pakdasht, Tehran, Iran (in Persian).
- Khajepour, M. R. 2004.** *Industrial Plants*. Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran. 571 pp. (in Persian).
- Knowles, P. F. 1969.** Centers of plant diversity and conservation of crop germplasm: Safflower. *Economic Botany* 23(4): 324-329.
- Kumar, H., Pillai, R. S. N., and Singh, R. B. 1981.** Cytogenetic studies in safflower. Proceedings of the 1st International Safflower Conference, Davis, CA, USA. pp. 126-136.
- Koocheki, A., and Khajeh Hosseini, M. 2008.** *Modern Agronomy Hand Book*. Jihad-e- Daneshgahi, Mashhad, Iran. 704 pp. (in Persian).
- Maleki Nejad, R., and Majidi, M. 2014.** Association of seed yield, oil and related traits in safflower genotypes under normal and drought stress. *Iranian Journal of Field Crops Research* 13(1): 109-119 (in Persian).
- Patel, J.S., and Narayana, G.V. 1935.** Chromosome numbers in safflower. *Current Science* 4: 412.
- Pourdada, S. S. 2000.** *A Decade Reseaches of Safflower Breeding in Dryland Condition: Achievements and Challenges in Iran*. Third International Seminar on Oilseeds and Edible Oils, Center for Knowledge and Oilseeds Industry, Coordination Center of Science and Industry Oilseeds, Tehran, Iran (in Persian).
- Pourdada S. S., and Jamshid-Moghaddam, M. 2013.** Study on genetic variation in

safflower collection (*Carthamus tinctorius* L.) under rainfed condition. Iranian Journal of Dryland Agriculture 1(3): 1-16 (in Persian).

Richharia, R. H., and Kotval, J. P. 1940. Chromosome numbers in safflower. Current Science 9: 73-74.

Shannon, C. E. 1948. A mathematical theory of communication. Bell System Technical Journal 27: 379-423.

Shinwari, Z. K., Rehman, H., and Rabbani, M.A. 2014. Morphological traits based genetic diversity in safflower (*Carthamus tinctorius* L.). Pakistan Journal of Botany 46(4): 1389-1395.

Singh, R. J. 2006. Landmark Research in Oilseed Crops. Genetic Resources, Chromosome Engineering, and Crop Improvement: Oilseed Crops (Vol. 4). CRC Press, Boca Raton, Florida, USA.

Vavilov, N.I. 1951. The Origin, Variation, Immunity and Breeding of Cultivated Plants: Selected Writings (Vol. 13, No. 1-6). Ronald Press, New York, USA.

Weiss, E.A. 1971. Castor, Sesame and Safflower. Leonard Hill Books, London, UK.

Zhang, Z., and Johnson, R.C. 1999. Safflower Germplasm Collection Directory. IPGRI Office for East Asia, Beijing, China.